

非胰岛素依赖型糖尿病遗传标志的分子生物学研究

钱荣立. 中华医学杂志, 1993, 73 (12): 716

关于非胰岛素依赖型糖尿病 (non-insulin dependent diabetes mellitus, NIDDM) 遗传标志的分子生物学研究有进展, 上海市第六人民医院医学遗传研究室先后报道了低密度脂蛋白 (low density lipoprotein, LDL) 受体基因多态与 NIDDM 及其脂质代谢表型的关系, 葡萄糖转运蛋白内切酶 Bgl I、XbaI 片断长度多态性与中国人 NIDDM 的关系。他们在对胰岛素、胰岛素受体和载脂蛋白等 6 个糖脂代谢有关基因研究的基础上, 应用 PCR 扩增对 LDL 受体基因的 Hinc I 酶切片断长度多态性与糖尿病发病及血脂改变关系的研究结果提示, LDL 受体基因的 Hinc I 片断长度多态性与 NIDDM 发病无关, 但高胆固醇和冠心病组的等位基因 H₁ 出现频率高, H₁H₂ 亚型的甘油三酯水平明显高于 H₂H₂ 亚型组, 说明该基因型对临床高血脂表现有影响。他们应用片段长度多态性技术对葡萄糖转运蛋白基因多态的研究结果, 表明中国人的 Bgl I /GluT 片段长度多态性与肥胖、冠心病和高甘油三酯血症无关。

(胡必利摘自: 1993 年中国医学科学进展, 糖尿病学。文题是编者加的)