

载脂蛋白 B 基因多态性与冠心病关系的研究

叶 平, 王士雯, 陈保生, 中华心血管病杂志, 1994, 22 (2): 119

应用聚合酶链反应检测了 80 例冠心病患者和 60 例正常人载脂蛋白 B 基因 XbaI 和 EcoRI 酶切位点上限制性片段长度多态性。结果表明, 冠心病组中 XbaI 酶切位点上少见 X⁺ (有酶切点) 等位基因相对频率为 0.10, 显著高于正常对照组的 0.001 ($P < 0.001$)。EcoRI 酶切位点上少见 E⁻ (无酶切点) 等位基因相对频率在冠心病组与正常对照组间差异无显著性 (0.11 比 0.05, $P > 0.05$)。此两个酶切位点上的限制性片段长度多态性间无显著相关性。冠心病组中, 在 XbaI 酶切位点上具有 X⁺X⁻ 基因型者的高密度脂蛋白胆固醇和载脂蛋白 AI 水平明显低于具有 X⁻X⁻ 基因型者。EcoRI 酶切点上的限制性片段长度多态性对血脂质及载脂蛋白水平无明显影响。本研究结果提示, XbaI 酶切点的基因变异可能与冠心病发病有一定关系。