

载脂蛋白 M 基因启动子区-855T> C 多态性与冠心病的关系

许伟伟, 汤轶波, 朱含章, 徐亚林, 范乐明

(南京医科大学动脉粥样硬化研究中心, 江苏省南京市 210029)

[关键词] 病理学与病理生理学; 载脂蛋白 M; 基因多态性; 冠心病; 杂合子; 启动子

目的 研究探讨载脂蛋白 M 多态性与冠心病的相关性。**方法** 采用聚合酶链反应—限制片段长度多态性分析方法, 对 418 例冠心病患者和 372 例健康对照者的载脂蛋白 M 基因启动子上游-855T> C 单核苷酸多态性进行分析。利用 PCR 的方法获得的产物长度为 231 bp, PCR 产物与限制性核酸内切酶 Hae III 经 37℃温育过夜, 用 3% 琼脂糖凝胶电泳分析, 通过 EB 染色紫外灯下显色。酶切产物存在 3 种形式: 231 bp 为 TT 纯合子, 231 bp、158 bp 和 73 bp 共存的为 TC 型杂合子, 158 bp 和 73 bp 为 CC 纯合子。通过奥林巴斯 2000 全自动生物化学分析仪测定空腹血清甘油三酯、总胆固醇、高密度脂蛋白胆固醇、低密度脂蛋白胆固醇水平。通过 SPSS13.0 软件包对数据进行分析。**结果** 冠心病病人的一些公认的危险因素如体质指数、血糖水平、吸烟、高血压等均比正常人高; 一些血脂指标如胆固醇、低密度脂蛋白胆固醇等冠心病人也低于正常对照组; 而冠心病组的高密度脂蛋白胆固醇水平则低于正常组。对两组间基因型的分布和等位基因的分布的研究显示: 与野生型基因型 GG 相比, 等位基因 T 携带者患冠心病的风险提高了 1.9 倍(OR= 1.907, 95% CI= 1.215~ 2.993, P= 0.005)。**结论** 载脂蛋白 M 基因-855T> C 多态性与中国人冠心病相关联。根据以上结果, 载脂蛋白 M 可能是预测心血管疾病的一个较好指标。

(此文编辑 王 佐)